

pBM18A Toposmart 克隆试剂盒

(pBM18A Toposmart Cloning Kit)



产品信息:

组分	CL073-01 (20次)	CL073-02 (20次x3)
pBM18A Vector (20ng/μl)	20μl	20μl×3
10×Toposmart	20μl	20μl×3
Control Insert LacZα	5μl	5μl
M13F(-47)Primer (使用前加45μl ddH ₂ O)	0.1OD	0.1OD×3
M13R(-48)Primer (使用前加45μl ddH ₂ O)	0.1OD	0.1OD×3

保存条件: -20℃ 保存

产品介绍:

pBM18AToposmart克隆试剂盒利用痘苗病毒的拓扑异构酶I(Topoisoemrase I)的切割再连接的特点将片段克隆到载体中, 不仅适用于克隆由Pfu、sPfu KOD、Xerox、Phusion和Q5等高保真DNA聚合酶扩增的平末端PCR产物, 也可克隆由Taq、Taq plus、Tth和klenTaq等DNA聚合酶扩增的带A尾的PCR产物。阳性克隆可用M13F(-47)和M13R(-48)引物进行菌落PCR鉴定。载体不含LacZ基因, 不能进行蓝白斑筛选。

产品特点:

- (1) 连接反应仅需 5 分钟。
- (2) 适用于平末端 PCR 产物和带 A 尾的 PCR 产物。
- (3) 载体采用了新的制备工艺, 零背景, 无需蓝白斑筛选。
- (4) 克隆位点两旁都有 *Sma*I 和 *Eco*RV 酶切位点, 适合单酶切鉴定。
- (5) 载体的多克隆位点两侧具有 SP6 和 T7 RNA 聚合酶启动子序列, 可用于体外 RNA 转录。
- (6) 载体具有氨苄青霉素抗性。

操作步骤

1.连接反应 按下表, 在一个 0.2ml PCR 管中依次加入

成分	体积
DNA 片段	0.5-8μl
pBM18A Vector	1μl
10×Toposmart	1μl
补水至总体积	10μl

加完试剂后, 轻轻混匀低速离心, 使溶液集中在管底。

注意: 此步骤不需要在低温条件下 (冰水浴) 上操作。

2.反应温度及片段要求

室温下（20-30℃）放置 5-15 分钟，（推荐使用 PCR 仪控制温度。可以设置 25℃反应 5-15 分钟。如果 PCR 产物电泳检测仅有很锐利明亮的条带，无引物二聚体和非特异性条带存在，可直接取 1-3 μ l 的 PCR 产物原液进行克隆。）然后将离心管放置在冰上。如当天不进行转化实验。请将连接产物置于-20℃保存。

注意：DNA 片段的用量见下表

片段大小（bp）	最佳用量（ng）
100-1000	20-50
1000-2000	50-100
2000-5000	100-200

3.阳性对照反应

取1 μ l试剂盒提供的1kb长度的对照Control Insert LacZ α 片段进行克隆，转化具有 α 互补功能的大肠杆菌感受态细胞（如DH5 α 、TOP10、Mach1-T1等）。菌液涂布在含有IPTG和X-gal的LB 氨苄平板上，次日蓝色菌落为阳性克隆，说明有片段插入，白色菌落为空载体。

4.转化

- （1）取 5 μ l 连接产物到 100 μ l 刚刚融化的感受态细胞中，轻轻混匀，冰浴 20-30 分钟。
- （2）42℃水浴中热击 30 秒。
- （3）立刻置于冰水浴中 2 分钟。
- （4）加入 900 μ l 无菌的不含抗生素的 SOC 或 LB，37℃，200rpm 振荡培养 60 分钟。

注：小于 2kb 片段可以不复苏，直接涂平板。

- （5）4000rpm 离心 1 分钟，去掉部分上清，保留 100 μ l 用移液器轻吹菌体，充分悬浮菌液，取全部菌液涂布，然后 37℃培养过夜（12-16 小时）。

5.阳性重组子的鉴定

菌落 PCR

- （1）菌落PCR方法鉴定阳性克隆

A.用10 μ l吸头挑选克隆至预先加有10 μ l无菌水或LB培养基的PCR管中，吹打混合。

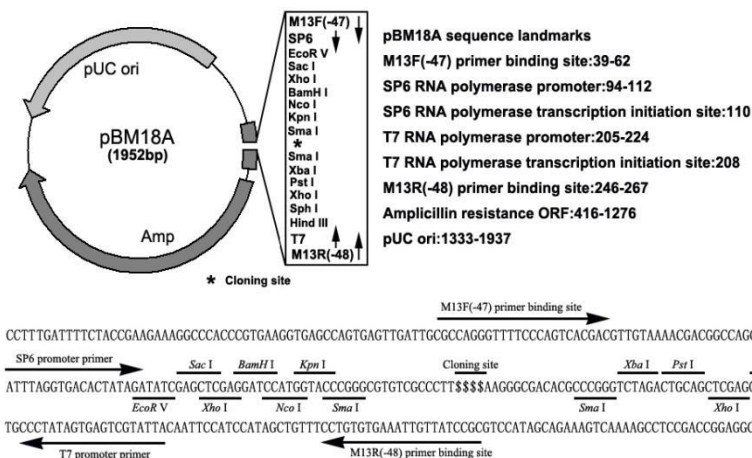
B.25 μ l PCR反应体系：取2 μ l细菌悬液为模板、加入5 μ M 浓度的M13F(-47)、

M13R(-48)各1μlPCR方法鉴定阳性克隆。

C.PCR扩增条件：95℃预变性5分钟（裂解细胞，失活核酸酶），94℃变性10秒钟，55℃退火10秒钟，72℃延伸（根据片段的大小决定延伸时间，通常每1min/1kb）X秒，30个循环，72℃后延伸5分钟。1%琼脂糖凝胶电泳分析扩增结果，有强烈的明显条带的克隆为重组体，与插入片段大小相近（由于M13引物在克隆位置的两侧，所以PCR扩增出的DNA的长度比插入片段大229bp）可视为阳性克隆。菌落PCR方法鉴定重组子时一定要设立一个不加菌液的阴性对照。

(2) 测序：用M13F(-47)、M13R(-48)通用引物对阳性质粒进行测序分析。

pBM18A载体图谱



常见问题分析

重组子克隆菌少，或阳性率低：

- (1) 感受态效率低，使用转化效率 $>5 \times 10^7$ cfu/μg的感受态细胞。
- (2) 连接反应不需在低温下（如放碎冰上）操作，应该在室温下操作。
- (3) PCR 片段加入量太多或太少，按照推荐量加入。
- (4) PCR 回收产物纯度低，重新扩增或重新纯化 PCR 产物。
- (5) PCR 回收产物质量低，切胶时在紫外下照射时间长，需重新制备。
- (6) PCR 扩增结束后，应该再延伸 5-10 分钟，确保片段延伸完全。
- (7) 转化后没有复苏培养，可以加入 SOC 或 LB，培养 60 分钟。
- (8) 克隆基因可能对宿主菌有毒性，比如某些编码膜蛋白和 DNA 结合蛋白的基因，某些启动子和调节序列基因，或含有倒置或串联重复序列的基因，选用室温过夜培养平板。

载体序列

>pBM18A (1952bp)

AAAGGCCACCCGTGAAGGTGAGCCAGTGAGTTGATTGCCGCAGGGTTTTCCCACTGACGACGTTGTA
 AAACGACGGCCAGCCAATTGAAGCTATTTAGGTGACACTATAGATATCGAGCTCGAGGATCCATGGTA
 CCCGGGCGTGTGCGCCCTT\$\$\$AAGGGCGACACGCCCCGGGTCTAGACTGCAGCTCGAGGCATGCAAGCT
 TTGCCCTATAGTGAGTCGTATTACAATTCATCCATAGCTGTTTCTGTGTGAAATTGTTATCCGCGT
 CCATAGCAGAAAGTCAAAAGCCTCCGACCGGAGGCTTTTGACTTGATCGGCACGTAAGAGTTTCCAAC
 TTTCACCATAATGAAATAAGATCACTACCGGGCGTATTTTTTGAGTTATCGAGATTTTCAGGAGCTAA
 GGAAGCTAAATGAGTATTCAACATTTCCGTGTCGCCCTTATTCCTTTTTTTCGGGCATTTTGCCCTTC
 CTGTTTTTGTCTACCCAGAAACGCTGGTGAAAGTAAAGATGCTGAAGATCAGTTGGGTGCACGAGTG
 GGTACATCGAACTGGATCTCAACAGCGGTAAGATCCTTGAGAGTTTTCGCCCCGAAGAACGTTTTCC
 AATGATGAGCACTTTTAAAGTTCTGCTATGTGGCGCGGTATTATCCCGTATTGACGCCGGGCAAGAGC
 AACTCGTGCGCGCATACATACTTCTCAGAATGACTTGGTTGAGTACTACCAGTCACAGAAAAGCAT
 CTTACGGATGGCATGACAGTAAGAGAATTATGCAGTGCTGCCATAACCATGAGTGATAAACTGCGGC
 CAACTTACTTCTGACAACGATCGGAGGACCGAAGGAGCTAACCGCTTTTTTGACAAACATGGGGGATC
 ATGTAACCTGCCTTGATCGTTGGGAACCGAGCTGAATGAAGCCATACCAAACGACGAGCGTGACACC
 ACGATGCCTGTAGCAATGGCAACAACGTTGCGCAAACTATTAAGTGGCGAACTACTTACTCTAGCTTC
 CCGGCAACAATTAATAGACTGGATGGAGGCGGATAAAGTTGCAGGACCACTTCTGCGCTCGGCCCTTC
 CGGTGGCTGGTTTATTGCTGATAAATCTGGAGCCGTGAGCGTGGGTCTCGCGGTATCATTGCAGCA
 CTGGGGCCAGATGGTAAGCCCTCCCGTATCGTAGTTATCTACACGACGGGAGTCAAGGCAACTATGGA
 TGAACGAAATAGACAGATCGCTGAGATAGGTGCCTCACTGATTAAGCATTGGTAATGAGGGCCAAAT
 GTAATCACCTGGCTCACCTTCGGGTGGGCCTTTCTGCGTTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTCCGCCCC
 CCTGACGAGCATCACAAAAATCGATGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACAGGACTATAAAGATA
 CCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCCTCTCCTGTTCCGACCCTGCCGTTACCGGATACC
 TGTCGCCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCTCATAGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCTG
 GTGATAGTGGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGTGTGCACGAACCCCCGTTACGCCCACCGCTGCGCCTT
 ATCCGGTAACTATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAGACACGACTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTG
 GTAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTAC
 GGCTACACTAGAAGAACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTCGGAAAAAGAGTT
 GGTAGCTCTTGATCCGGCAAAACAAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTTGTTTGAAGCAGCAGAT
 TACGCGCAGAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATTTTCTACCGAAG

BM20220716